



***Enfermedades Infecciosas
y Microbiología***

Órgano de la Asociación Mexicana de Infectología y Microbiología Clínica, AC,
y del Consejo Mexicano de Certificación en Infectología AC.

<http://www.amimc.org.mx>



XL Congreso Anual de la Asociación
Mexicana de Infectología y Microbiología Clínica, AC.

San Luis Potosí, SLP.

27 - 30 de mayo de 2015

Centro de Convenciones

Indizada en IMBIOMED <http://www.imbiomed.com>

Clonas internacionales CC113 y CC92 de *Acinetobacter baumannii* no susceptible a carbapenems en hospitales mexicanos.

G-VILLORIA ANA MARJA¹, GARZA-RAMOS ULISES¹, BARRIOS-CAMACHO HUMERTO,¹ SÁNCHEZ-PÉREZ ALEJANDRO¹, TAMAYO-L ELSA M.¹ CEVALLOS M. ANGEL,² STUDY GROUP,³ AND SILVA-SANCHEZ JESUS¹ *

¹Instituto Nacional de Salud Pública (INSP), CISEI, Cuernavaca, Morelos, México. ²Genómica Evolutiva, Centro de Ciencias Genómicas, Universidad Nacional Autónoma de México, Cuernavaca, Morelos, México. ³HUNL, E. Garza-González, G. M González; CMN 20 NOV/ISSSTE, Juana Salazar; CMNXXI/ Card., A. Meza-Chavez, UMAE H de Pediatría, CMN Oriente. R. Díaz Peña; HC Ignacio Morones Prieto/SLP, P. del C. Niño-Moreno, E. A. Turrubartes-Martínez, J. Tovar-Oviedo, M. Magaña-Aquino; HGUruapan, Pedro Daniel Martínez, L. E. Loperena Contreras; HGOaxaca, N. E. Rivera Martínez., Q. S. Cruz Martínez; HRM, J. Ayala, C. E. Guajardo-Lara; CMN La Raza, C. E. Santacruz Tinoco; INCan, Patricia Cornejo y Patricia Volkow; H. C. Guadal., R Morfin-Otero, E. Rodriguez-Noriega. HGaca., A. Calderón, F. Jaimes-Dominguez, y B. González-Cervantes.

Objetivo:

Determinar las secuencias tipo (ST) y los mecanismos asociados a resistencia a carbapenémicos en aislamientos clínicos de *A. baumannii*.

Material y métodos.

Se colectaron 201 aislamientos por conveniencia en el periodo 2006-2014 de *A. baumannii* provenientes de 16 hospitales. La susceptibilidad antimicrobiana se determinó por Kirby Bauer y microdilución siguiendo las recomendaciones del CLSI. La relación clonal fue determinada por PFGE y el complejo clonal (CC) mediante Multi Locus Sequence Typing (MLST). Las carbapenemasas OXA-51, OXA-23, OXA-24, OXA-58, la porina CarO y la bomba de eflujo AdeABC así como los elementos de inserción asociados a estas se identificaron mediante PCR con oligonucleótidos específicos.

Resultados

De los 201 aislamientos colectados, 191 fueron no susceptibles a imipenem y/o meropenem. En base al perfil de PFGE y producción de OXAs se seleccionaron 21 aislamientos. El 100% fue resistentes IMP y/o MER y susceptibles a tigeclina y colistina. Se obtuvieron 10 ST conocidos y 4 ST nuevos (Aun no asignados) siendo el ST758 el mayoritario (9 aislamientos) que pertenecen al CC113; las ST 417, 472, 369, 771, 762, 473,208 pertenecientes al CC92; las ST490 del CC110 y la ST231 del CC109. El 100% de los aislamientos contiene OXA51 así como la porina CarO, la OXA-239 y OXA72 se identificaron en un 33.3%; la OXA-58 se identificó en el 17.24%. Finalmente la bomba de eflujo AdeABC está presente en el 83%.

Conclusiones

Se identificaron dos complejos clonales internacionales mayoritarios, CC113 y CC92, así como la regionalización de las OXAs 72 y 239 en el norte y suroeste del país, respectivamente. Se recomienda una vigilancia epidemiológica de este patógeno aún sensible a dos antibióticos.